

EDITAL Nº 191

EXAME DE QUALIFICAÇÃO - MESTRADO

A Coordenação do Programa de Pós-Graduação em Odontologia - Área de Concentração em **Ortodontia** comunica a realização do Exame de Qualificação do mestrando **Bruno Borges de Castilhos**, ano de ingresso 2011, a ser realizado no dia **14 de março de 2013** às **08h30**. Local Sala de Seminário do Programa de Pós-Graduação em Odontologia.

TÍTULO: "ANÁLISE DE POLIMORFISMOS NO GENE DO RANKL E A SUSCETIBILIDADE À REABSORÇÃO RADICULAR APICAL EXTERNA (RRAE) EM INDIVÍDUOS TRATADOS ORTODONTICAMENTE"

RESUMO

Introdução: A identificação de fatores implicados na iniciação e progressão da reabsorção radicular apical externa (RRAE) durante o tratamento ortodôntico tem sido o foco de inúmeros estudos. Os recentes avanços no conhecimento da biologia de células ósseas demonstraram o papel fundamental do Receptor Ativador do Fator Nuclear kappa B (RANK), do Ligante do Receptor Ativador do Fator Nuclear kappa B (RANKL) e da Osteoprotegerina (OPG) no sistema diferenciação e função dos osteoclastos. Polimorfismos são variações nos genes, que podem impactar na quantidade ou função da proteína expressa. *Single nucleotide polymorphisms* (SNPs) são as mais frequentes variações nos genes humanos. SNPs no gene do mediador (ou da citocina) RANKL (*RANKL*) têm sido relacionados com condições fisiopatológicas, como: osteoporose, artrite reumatoide, perda de densidade mineral óssea e periodontite agressiva. **Objetivo:** Investigar a associação de polimorfismos do tipo tagSNPs (que capturam a informação de todos os SNPs de um gene por alto grau de desequilíbrio de ligação) no gene *RANKL* e variáveis clínicas com a RRAE em pacientes tratados e não tratados ortodonticamente. **Método:** Uma amostra de 372 pacientes não aparentados, de ambos os sexos, com média de idade de 14,9 anos (8 a 21), com oclusão de Classe II divisão 1, sendo 334 pacientes tratados ortodonticamente, por meio de técnicas de *Edgewise* ou *Straight Wire*, e 38 pacientes não tratados. Radiografias periapicais dos incisivos centrais com as raízes dos dentes mais longos (de referência) foram tomadas no pré-tratamento e seis meses após o início do tratamento. Após a coleta e purificação do DNA, a análise dos polimorfismos do gene do RANKL foi realizada pela técnica de PCR em tempo real. Análises univariadas e multivariadas foram realizadas para verificar a associação de variáveis clínicas e genéticas com a EARR ($p < 0,05$). **Resultados:** Observou-se uma maior proporção de RRAE em pacientes tratados ortodonticamente. O maior comprimento da raiz inicial e a extração de pré-molares mostraram-se associados à RRAE na uni e multivariada. Considerando o estudo de polimorfismos do gene *RANKL*, nenhuma associação estatisticamente significativa foi encontrada dos polimorfismos genéticos com a RRAE. **Conclusão:** Aspectos clínicos, como comprimento da raiz inicial e extração de pré-molares, foram associados com a RRAE. No entanto, os fatores genéticos estudados não mostraram-se associados com essa condição complexa.

Palavras-chaves: RANKL, movimentação dentária

A Banca Examinadora será composta por:

Presidente: **Profª Drª Paula Cristina Trevilatto**

Prof. Dr. Odilon Guariza Filho

Profª Drª Elisa Camargo de Souza

Prof. Dr. Orlando Tanaka - Suplente

Prof. Dr. Sérgio Vieira

Coordenador do Programa de Pós-Graduação em Odontologia

Curitiba, 12 de março de 2013

Neide Reis Borges ou Flavia Beuting
Pontifícia Universidade Católica do Paraná
Programa de Pós-Graduação em Odontologia
Doutorado /Mestrado em Odontologia
Rua Imaculada Conceição, 1155
Prado Velho - 80215-901 Curitiba - Paraná - Brasil